

Kraków, 29.01.2026

Dział Zamówień Publicznych
tel. 0-12 614 34 84
e-mail: przetargi@szpitaljp2.krakow.pl

DZ.4240.1.93.2026

dotyczy: Konkurs nr DZ.4240.1.2026 – „Badania genetyczne zlecane podmiotom zewnętrznym”

Podmiot leczniczy - Krakowski Szpital Specjalistyczny im. św. Jana Pawła II, ul. Prądnicka 80, 31-202 Kraków, informuje, że w związku z ogłoszonym konkursem, wpłynęły następujące pytania:

1. Czy Udzielający Zamówienia dopuszcza podwykonawstwo w zakresie wybranych badań z pakietu?
Odpowiedź: Udzielający Zamówienia nie dopuszcza podwykonawstwa w zakresie wybranych badań.
2. Proszę o informację na temat konieczności posiadania własnego sekwenatora. Laboratorium Genetyczne GENOS powierza sekwencjonowanie podwykonawcy, wszystkie pozostałe procedury wykonując samodzielnie. W regulaminie nie ma jasnej informacji czy w takiej sytuacji kwalifikujemy się jako ofert w konkursie.
Odpowiedź: Udzielający Zamówienia nie dopuszcza podwykonawstwa, w wyniku czego laboratorium wykonujące badanie musi posiadać własny sekwenator.
3. Pakiet nr 5, poz.1
Prosimy o podanie listy genów przewidzianych do analizy metodą NGS. W każdym laboratorium genetycznym zakres możliwych do wykonania badań panelowych z zastosowaniem metody NGS jest ograniczony dostępnym asortymentem bibliotek zaprojektowanych do konkretnych genów. Analiza dowolnego genu spośród wszystkich 23000 genów człowieka możliwa jest jedynie w ramach badania całokosmowego (WES). Prosimy zatem o informację czy Zamawiający ma na myśli badanie WES i jeśli tak to prosimy o wydłużenie czasu jego wykonania do 12 tygodni.
Odpowiedź: Obecnie nie jest możliwe podanie przez Udzielającego Zamówienia listy genów do analizy metodą NGS, ponieważ wynika to z bieżącego zapotrzebowania lekarzy na określone badania.
4. Pakiet nr 1, poz. 31.
W opisie badania wymieniono gen JRK. W bazie OMIM gen ten nie jest powiązany z żadną chorobą. W bazie ClinVar jak dotąd nie wykryto żadnych wariantów patogennych ani potencjalnie patogennych typu SNV w tym genie. Prosimy zatem o weryfikację zakresu badania. Badanie diagnostyczne nie powinno obejmować genów o nieudowodnionym wpływie na obraz kliniczny.
Odpowiedź: Dany panel został wyspecyfikowany w odpowiedzi na zapotrzebowanie lekarzy neurologów naszego Szpitala.

5. Pakiet nr 1, poz. 27 i poz. 28
Prosimy o doprecyzowanie jakiego zakresu badania oczekuje Zamawiający w określeniu etap1 i etap2 – nie jest to określenie jednoznaczne i uniemożliwia wycenę usługi.
Odpowiedź: Pozycja nr 27 i 28 została omyłkowo zdublowana. Prawidłowa nazwa badania powinna być: „Padaczka, zespół niedoboru transportera glukozy GLUT1, dystonia typu 18 (analiza sekwencji genu SLC2A1)”.
6. Pakiet nr 1, poz. 23
Prosimy o podanie koordynatów wariantu opisanego jako dup24 zgodnie z HGVS lub ClinVar, tak aby opis był jednoznaczny. Duplikacja 24 nukleotydów może dotyczyć teoretycznie duplikacji dowolnego regionu genu lub dowolnej pozycji w eksonie.
Odpowiedź: Zapis wariantu: NM_139058.3:c.428_451dup/p.(Gly143_Ala150dup)
7. Pakiet nr 5, poz. 34
GDNF - W bazie ClinVar jak dotąd nie wykryto żadnych wariantów patogennych ani potencjalnie patogennych typu SNV a tym genie. Gen nie jest powiązany z GIST, paraganglioma, pheochromocytoma. Prosimy zatem o weryfikację zakresu badania. Badanie diagnostyczne nie powinno obejmować genów o nieudowodnionym wpływie na obraz kliniczny.
Odpowiedź: Badanie zostało wyspecyfikowane w odpowiedzi na zapotrzebowanie lekarzy naszego Szpitala.
8. Pakiet nr 5, poz. 7
Choroba Huntingtona jest powodowana mutacją dynamiczną w genie HTT a technika NGS nie jest metodą dedykowaną do wykrywania mutacji dynamicznych. Metodami gwarantującymi odpowiednią czułość wykrywania mutacji dynamicznej w genie HTT są techniki GeneScan i/lub tpPCR. Prosimy o skorygowanie opisu metody wykonywania tego badania.
Odpowiedź: Opis metody badawczej w genie HTT został podany omyłkowo. Prawidłowy opis metody badawczej powinien być: „Analiza fragmentów DNA: TP-PCR (ang. *Tripled-primed PCR*) i/lub GeneScan”.
9. Wzór Umowy, §4
Zwracamy się z prośbą o rezygnację z kar umownych lub przynajmniej ograniczenie ich wysokości do 1% wartości badania. Ze względu na szczególny charakter badań genetycznych i złożoność procedur molekularnych, czas wykonania badań jest zwykle orientacyjny i nie jest możliwe jego precyzyjne określenie. Kilukudniowe wydłużenie czasu wykonania badań zwykle nie ma żadnego znaczenia klinicznego dla pacjenta a jest bardzo istotne ze względu na konieczność zachowania standardu postępowania laboratoryjnego.
Odpowiedź: Zamawiający zmienia treść §4 wzoru umowy.

Było:

§4

Odpowiedzialność

1. Strony ustalają następujące kary umowne:

a. w przypadku zwłoki w wykonaniu i dostarczeniu wyniku zleconego badania Wykonawca zapłaci Zamawiającemu karę w wysokości 5% wartości zleconego badania, za każdy dzień zwłoki,

Jest:

§4

Odpowiedzialność

1. Strony ustalają następujące kary umowne:

a. *w przypadku zwłoki w wykonaniu i dostarczeniu wyniku zleconego badania Wykonawca zapłaci Zamawiającemu karę w wysokości 1% wartości zleconego badania, za każdy dzień zwłoki,*

- Pozostałe zapisy dokumentów konkursowych pozostają bez zmian.
- UWAGA: Niniejsze pismo stanowi integralną część Regulaminu konkursowego.

Załączniki:

- Załącznik nr 4 – Formularz cenowy AKTUALNY
- Załącznik nr 5 – Wzór umowy AKTUALNY