|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Konkurs nr DZ.4240.2.2021**  **Załącznik nr 4**  **Pakiet nr 1** | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | |
| L.p. | | Rodzaj badania | Ilość na dwa lata | | | Cena jednego badania | | Koszt badań | | Metoda | | Wartości referencyjne | Materiał | | Maksymalny czas oczekiwania na wynik | | Temperatura  i czas przechowywania próbki | | Dodatkowe wymagania dotyczące przygotowania pacjenta, pobierania  i przechowywania próbki | | Zamierzam powierzyć podwykonawcy**\*** | | Dokument poświadczający kontrolę zewnątrzlaboratoryjną. |
| 1 | | 2 | 3 | | | 4 | | 5 | | 6 | | 7 | 8 | | 9 | | 10 | | 11 | | 12 | | 13 |
| 1 | | **ABCA4** Choroba Stargardta, retinopatia barwnikowa, dystrofia pręcikowo-czopkowa,ciężka dystrofia siatkówki o wczesnym początku, dno żółto-plamiste  Inne nazwy (aliasy): STGD1; ABCR; RP19; STGD; FFM; ARMD2; CORD3 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 2 | | **ABCD1** Adrenoleukodystrofia, Choroba Addisona i stwardnienie guzowate, Choroba Siemerlinga-Creutzfeldta, Choroba Schildera, Melanodermia  Inne nazwy (aliasy): ALD; ALDP; AMN | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 3 | | **ACVRL1** Wrodzona naczyniakowatość krwotoczna (Choroba Rendu-Oslera-Webera) | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 4 | | **ANKRD26** Trombocytopenia | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 5 | | **APC** Rodzinna polipowatość gruczolakowata, Zespół Gardnera, Guzy desmoidalne nne nazwy (aliasy): DP2; DP3; DP2.5; PPP1R46 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 6 | | **APOE** Choroba Alzheimera, postać późna, Dysbetalipoproteinemia, Glomeluropatia lipoproteinowa, Zespół niebieskich histiocytów | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 7 | | **AR** Inne nazwy (aliasy): DHTR; SBMA; AIS; NR3C4; SMAX1; HUMARA | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 8 | | **ATM r**ak piersi, Ataksja-Telangiektazja | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 9 | | **ATP7B** Choroba Wilsona | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 10 | | **BRCA1**  Rak piersi, Rak jajnika, Rak trzustki | 10 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 11 | | **BRCA1** Rak piersi i jajnika - analiza delecji MLPA (BRCA1); BRCA1 | 4 | | |  | |  | | MLPA | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 12 | | **BRCA2**  Rak piersi i jajnika - analiza delecji MLPA (BRCA2); | 4 | | |  | |  | | MLPA | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 13 | | **BRCA2** Rak piersi, Rak jajnika, Rak trzustki, Rak prostaty, Czerniak | 10 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 14 | | **C9ORF72**  Stwardnienie zanikowe boczne | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 15 | | **CACNA1C** Zespół Brugadów, Zespół Timothy   Inne nazwy (aliasy): CCHL1A1; CACNL1A1; Cav1.2; CACH2; CACN2; TS; LQT8 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 16 | | **CAPN3** Dystrofia mięśniowa kończynowo-obręczowa typ 2A, dystrofia Leydena-Moebiusa | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 17 | | **CBS** Homocystynuria | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 18 | | **CDKN1C** Zespół Beckwita-Wiedemanna, Zespół IMAGE  Inne nazwy (aliasy): BWCR; BWS; KIP2; P57 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 19 | | **CDKN2A** Inne nazwy (aliasy): CDKN2; MLM; CDK4I; p16; INK4a; MTS1; CMM2; ARF; p19; p14; INK4; p16INK4a; p19Arf; p14ARF | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 20 | | **CFTR** Mukowiscydoza, Wrażliwość na ivacaftor/lumacaftor Inne nazwy (aliasy): CF; ABCC7; MRP7; ABC35; TNR-CFTR; dJ760C5.1; CFTR/MRP | 6 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 21 | | **CHEK2** Rak piersi, Rak prostaty | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 22 | | **CHRNA4** Padaczka z napadami nocnymi  Inne nazwy (aliasy): EBN; EBN1; BFNC | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 23 | | **CHRNB2** Padaczka z napadami nocnymi | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 24 | | **CHRNE**   Zespół miasteniczny Inne nazwy (aliasy): ACHRE | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 25 | | **COL3A1** Zespół Ehlersa-Danlosa   Inne nazwy (aliasy): EDS4A | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 26 | | **COL5A1** Zespół Ehlersa-Danlosa | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 27 | | **COL9A1** Zespół Sticklera | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 28 | | **COL9A2** Zespół Sticklera | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 29 | | **CSF1R** Leukoencefalopatia   Inne nazwy (aliasy): FMS; C-FMS; CSFR; CD115 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 30 | | **CYP1B1** Jaskra młodzieńcza pierwotnie otwartego kąta, jaskra pierwotnie otwartego kąta dorosłych, pierwotna wrodzona jaskra, anomalia Petersa | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 31 | | **CYP21A2** Wrodzony przerost nadnerczy, Niedobór 21-hydroksylazy Inne nazwy (aliasy): CYP21; CYP21B; P450c21B; CA21H; CPS1; CAH1 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 32 | | **DES** Kardiomiopatia rozstrzeniowa, Miopatia miofibrylarna  Inne nazwy (aliasy): CMD1I; CSM1; CSM2 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 33 | | **DMD** Dystrofia mięśniowa Beckera  Inne nazwy (aliasy): MRX85; BMD; DXS142; DXS164; DXS206; DXS230; DXS239; DXS268; DXS269; DXS270; DXS272 | 6 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 34 | | **DMPK** Dystrofia miotoniczna typ 1 | 4 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 35 | | **DYSF**  Dystrofia mięśniowa kończynowo-obręczowa typ 2B Inne nazwy (aliasy): LGMD2B; FER1L1 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 36 | | **ELOVL4** Choroba Stargardta, rybia łuska, porażenie spastyczne czterokończynowe, opóźnienie umysłowe i ataksja rdzeniowo-móżdżkowa  Inne nazwy (aliasy): CT118; SCA34; STGD2; STGD3 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 37 | | **EYA1** Zespół uszno-twarzowo-szyjny, Zespół skrzelowo-uszny, Zespół skrzelowo-uszno-nerkowy  Inne nazwy (aliasy): BOR | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 38 | | **FBN1** Zespół Marfana, Zespół MASS  Inne nazwy (aliasy): FBN; MFS1; WMS; MASS; OCTD; SGS | 10 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 39 | | **FMR1** Zespół łamliwego chromosomu X | 6 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 40 | | **FRMD7** Oczopląs zmienny okresu dziecięcego | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 41 | | **FTL** Zespół hiperferrytynemia-zaćma, niedobór L-ferrytyny, neurodegeneracja z akumulacją żelaza | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 42 | | **FXN** Ataksja Friedreicha  Inne nazwy (aliasy): FRDA; FA; FARR; X25; CyaY | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 43 | | **GAA** Choroby spichrzeniowe glikogenu | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 44 | | **GALC** Choroba Krabbego, leukodystrofia globoidalna | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 45 | | **GBA** Choroba Gauchera | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 46 | | **GCH1** Hiperfenyloalaninemia, Dystonia wrażliwa na dopaminę  Dystonia wrażliwa na dopaminę, zespół Segawy Inne nazwy (aliasy): DYT14; DYT5; DYT5a; GCH; GTPCH1 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 47 | | **GDF6** Zespół Klippel-Feil | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 48 | | **GDAP1** Choroba Charcota-Mariego-Tootha  Inne nazwy (aliasy): CMT4A; CMT4; CMT2K | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 49 | | **GFAP** Choroba Alexandra   Inne nazwy (aliasy): FLJ45472 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 50 | | **GJA1** Dysplazja oczno-zębowo-palcowa  Inne nazwy (aliasy): GJA12; CX47; CX46.6; SPG44 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 51 | | **GJB1** Choroba Charcota-Mariego-Tootha Inne nazwy (aliasy): CMTX1; CMTX; CX32 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 52 | | **GJB2** Głuchota, Zespół Bart-Pumphrey'a, keratodermia/ rogowiec dłoni i stóp z głuchotą, Zespół Vohwinkel, rybia łuska jeżasta z głuchotą, Zespół KID (Zespół keratitis-ichthyosis-głuchota) Inne nazwy (aliasy): DFNB1; DFNA3; CX26; NSRD1 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 53 | | **GLA** Choroba Fabry'ego GLA Inne nazwy (aliasy): GALA | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 54 | | **GLRA1** Hiperekpleksja dziedziczna, Wrodzony zespół sztywności uogólnionej Hiperekpleksja | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 55 | | **GNAS** Osteodystrofia Albrighta, Rzekoma niedoczynność przytarczyc Inne nazwy (aliasy): GNAS1; NESP55; NESP; GNASXL; GPSA; SCG6; SgVI | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 56 | | **HFE2** Hemochromatoza | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 57 | | **HINT1** Neuropatia aksonalna | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 58 | | **HSD17B4** Zespół Perraulta | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 59 | | **HTT** Pląsawica Huntingtona | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 60 | | **IDUA** Mukopolisacharydoza | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 61 | | **IL2RG** Złożony niedobór odporności | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 62 | | **JAG1** Zespół Alagille'a  Inne nazwy (aliasy): AGS; JAGL1; AHD; AWS; HJ1; CD339 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 63 | | **KCNH2** Zespół krótkiego QT, Zespół długiego QT Inne nazwy (aliasy): LQT2; Kv11.1; HERG; erg1 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 64 | | **KCNJ2** Zespół krótkiego QT, Zespół Andersena syndrome, Zespół długiego QT, Migotanie przedsionków KCNJ2 Inne nazwy (aliasy): Kir2.1; IRK1; LQT7 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 65 | | **LDLR** Hipercholesterolemia   Inne nazwy (aliasy): LDLCQ2 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 66 | | **LMNA** Zespół serce-ręka, Dystrofia kończynowo-obręczowa, Lipodystrofia, Dystrofia Emery'ego-Dreiffusa, Kardiomiopatia rozstrzeniowa, Progeria Hutchinsona-Gilforda   Inne nazwy (aliasy): LMN1; CMD1A; LGMD1B; PRO1; LMNL1; HGPS | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 67 | | **MASTL** Małopłytkowość | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 68 | | **MECP2** Zespół Retta Inne nazwy (aliasy): RTT; MRX16; MRX79 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 69 | | **MFN2** Dziedziczna neuropatia ruchowa i czuciowa, Choroba Charcota-Mariego-Tootha  Inne nazwy (aliasy): CPRP1; KIAA0214; MARF; CMT2A2 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 70 | | **MTMR2** Choroba Charcota-Mariego-Tootha  Inne nazwy (aliasy): CMT4B; KIAA1073 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 71 | | **MYBPC3** Niescalenie mięśnia lewej komory, Kardiomiopatia przerostowa, Kardiomiopatia rozstrzeniowa Inne nazwy (aliasy): CMH4; MYBP-C; FHC | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 72 | | **MYOC** Jaskra pierwotnie otwartego kąta | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 73 | | **NBN** Rak piersi, Rak prostaty, Zespół Nijmegen | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 74 | | **NF1** Neurofibromatoza | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 75 | | **NF2** Neurofibromatoza typ II | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 76 | | **NIPBL** Zespół Cornelii de Lange  Inne nazwy (aliasy): IDN3; DKFZp434L1319; FLJ11203; FLJ12597; FLJ13354; FLJ13648; Scc2 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 77 | | **NOD2** Choroba Leśniowskiego i Crohna, Zespół Blau, sarkoidoza Inne nazwy (aliasy): IBD1; CARD15; BLAU; CD; PSORAS1; CLR16.3; NLRC2 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 78 | | **NOTCH3** Inne nazwy (aliasy): CADASIL; CASIL | 6 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 79 | | **PABPN1** Dystrofia mięśniowo-oczno-gardłowa | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 80 | | **PAX3** Zespół twarzoczaszka-głuchota-ręka, Zespół Waardenburga Inne nazwy (aliasy): WS1; HUP2 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 81 | | **PKD1** Wielotorbielowatość nerek  Inne nazwy (aliasy): PBP; Pc-1; TRPP1 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 82 | | **PLAU** Choroba Alzheimera, postać późna | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 83 | | **PMP22** Choroba Charcota-Mariego-Tootha PMP22 Inne nazwy (aliasy): HNPP; GAS3; Sp110 | 4 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 84 | | **PMS1** Zespół Lyncha typu 1 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 85 | | **PMS2** Zespół Lyncha | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 86 | | **PSEN1** Choroba Alzheimera, postać wczesna | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 87 | | **PSEN2** Choroba Alzheimera, postać wczesna | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 88 | | **PTCH1** Zespół nabłoniaków znamionowych  Inne nazwy (aliasy): NBCCS; PTCH; BCNS | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 89 | | **PTEN** Zespół Cowden | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 90 | | **PTPN11** Zespół Noonan, Zespół LEOPARD  Inne nazwy (aliasy): NS1; BPTP3; SH-PTP2; SHP-2; PTP2C; SHP2 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 92 | | **RPE65**    Retinopatia barwnikowa, wrodzona ślepota Lebbera | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 93 | | **RYR1**  Wrażliwość na anestetyki halogenowe, suksametonium  Inne nazwy (aliasy): MHS; MHS1; CCO; RYR; PPP1R137 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 94 | | **SBF2** Choroba Charcota-Mariego-Tootha  Inne nazwy (aliasy): CMT4B2; KIAA1766; MTMR13; DENND7B | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 95 | | **SCN1A** Wczesna encefalopatia padaczkowa niemowląt typ 6, Zespół Dravet   Inne nazwy (aliasy): SCN1; FEB3; Nav1.1; GEFSP2; HBSCI; NAC1; SMEI | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 96 | | **SCN5A** Zespół Brugadów, Zespół długiego QT, Kardiomiopatia rozstrzeniowa, Rodzinny postępujacy blok serca Inne nazwy (aliasy): CMD1E; Nav1.5; LQT3; HB1; HBBD; PFHB1; IVF; HB2; HH1; SSS1; CDCD2; CMPD2; ICCD | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 97 | | **SCN9A**  Zespół Dravet   Inne nazwy (aliasy): Nav1.7; PN1; NE-NA; NENA; ETHA | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 98 | | **SETX** Ataksja z apraksją okoruchową, stwardnienie zanikowe boczne, postać młodzieńcza, ataksja rdzeniowo-móżdżkowa Inne nazwy (aliasy): ALS4; SCAR1; KIAA0625; AOA2 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 99 | | **SLC40A1** Hemochromatoza typ IV | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 100 | | **SMAD3** Zespół Loeysa-Dietza  Inne nazwy (aliasy): MADH3; JV15-2; HsT17436 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 101 | | **SMCHD1** Dystrofia twarzowo-łopatkowo-ramieniowa  Inne nazwy (aliasy): KIAA0650 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 102 | | **SOD1** Stwardnienie zanikowe boczne | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 103 | | **SPG11** Porażenie spastyczne, Stwardnienie zanikowe boczne, Choroba Charcota-Mariego-Tootha   Inne nazwy (aliasy): KIAA1840; FLJ21439 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 104 | | **SPRED1** Zespół Legiusa   Inne nazwy (aliasy): FLJ33903; PPP1R147 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 105 | | **STK11** Zespół Peutza-Jeghersa Inne nazwy (aliasy): PJS; LKB1 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 106 | | **TARDBP** Stwardnienie zanikowe boczne  Inne nazwy (aliasy): TDP-43; ALS10 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 107 | | **TGFBR2** Zespół Loyesa-Dietza, Rak jelita grubego  Inne nazwy (aliasy): MFS2 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 108 | | **TP53** Zespół Li-Fraumeni, Rak piersi, Chłoniak nieziarniczy, Rak nadnerczy, Rak prostaty Inne nazwy (aliasy): p53; LFS1 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 109 | | **TRPV4** Artropatia-brachydaktylia, Dysplazja kręgosłupowo-nasadowa, Neuropatia czuciowo-ruchowa, Choroba Charcota-Mariego-Tootha Inne nazwy (aliasy): OTRPC4; TRP12; VROAC; VRL-2; VR-OAC; CMT2C TRPV4 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 110 | | **TTN** Kardiomiopatia przerostowa,  Inne nazwy (aliasy): CMD1G; CMPD4; FLJ32040; TMD; CMH9; LGMD2J; MYLK5 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 111 | | **TTR** Hipertyroksynemia związana z zaburzeniami transttyretyny Inne nazwy (aliasy): PALB; CTS1; HsT2651; CTS | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 112 | | **UGT1A1** Zespół Crigler-Najjar, Zespół Gilberta, Wrażliwość na azatanawir, Wrażliwość na rytonawir  Inne nazwy (aliasy): UGT1; GNT1; UGT1A | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 113 | | **USH2A** Zespół Ushera Inne nazwy (aliasy): USH2; RP39 | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 114 | | **VHL** Zespół von Hippel-Lindau, Erytrocytoza | 2 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| 115 | | Analiza pełnej sekwencji kodującej DOWOLNEGO GENU (wszystkich eksonów) metodą NGS. | 10 | | |  | |  | | Analiza pełnej sekwencji kodującej genu (wszystkich eksonów) - NGS | |  |  | | **8 tygodni** | |  | |  | |  | |  |
| **Wartość pakietu** | | | | | | | |  | |  | |  |  | |  | |  | |  | |  | |  |
| Oferowana cena pakietu jest ceną brutto, obejmująca wszystkie rabaty i upusty i traktowana jest jako ostateczna do zapłaty przez Zamawiającego | | | | | | | | | |  | | Kraków, dnia ………………………….. |  | |  | |  | | …………………………………. | |  | |  |
|  |  | | |  |  | |  | |  | |  | |  |  | |  | | podpis osoby uprawnionej | |  | |  | | |
|  | **Uwagi:** | | |  |  | |  | |  | |  | |  |  | |  | |  | |  | |  | | |
|  | **\*** wypełnić, poprzez wpisanie nazwy podwykonawcy, wykreślenie lub wpisać "nie dotyczy" | | | | | | | | | |  | |  |  | |  | |  | |  | |  | | |

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|  | **Konkurs nr DZ.4240.2.2021**  **Załącznik nr 4**  **PAKIET NR 2** | | | | | |  |  |  |  |  |  |
| L.p. | Rodzaj badania | Ilość na dwa lata | Cena jednego badania | Koszt badań | Metoda | Wartości referencyjne | Materiał | Maksymalny czas oczekiwania na wynik | Temperatura  i czas przechowywania próbki | Dodatkowe wymagania dotyczące przygotowania pacjenta, pobierania  i przechowywania próbki | Zamierzam powierzyć podwykonawcy**\*** | Dokument poświadczający kontrolę zewnątrzlaboratoryjną. |
| 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 | 9 | 10 | 11 | 12 | 13 |
| 1 | **Zespół Nijmegen** Badanie najczęstszej mutacji c.657\_661del5 (p.Lys219AsnfsX15) w genie NBS1 (inna nazwa genu NBN) - I etap | 3 |  |  | sekwencjonowanie |  |  | **5 tygoni** |  |  |  |  |
| 2 | **Zespół Beckwitha-Wiedemanna** (BWS) ms-mlpa dla regionu 11p15 | 3 |  |  | MLPA |  |  | **8 tygodni** |  |  |  |  |
| 3 | **Zespół Lyncha**, predyspozycja do nowotworów trzonu macicy, raka jelita cienkiego i grubego Badanie wybranych fragmentów genów MLH1, MSH2, MSH6, PMS2 | 2 |  |  | sekwencjonowanie |  |  | **5 tygodni** |  |  |  |  |
| 4 | **Trombocytopenia** (małopłytkowość) Badanie mutacji Glu167Asp w genie MASTL oraz c.1-116C>T, c.-118C>T, c.1-125T>G, c.1-127A>T, c.1-128G>A, c.1-134G>A w genie ANKRD26 | 3 |  |  | sekwencjonowanie |  |  | **5 tygodni** |  |  |  |  |
| 5 | **Zespół NARP** Badanie częstych mutacji m.8993T>G oraz w zakresie m.8700\_9200 genu MTATP6 | 3 |  |  | sekwencjonowanie |  |  | **5 tygodni** |  |  |  |  |
| 6 | **Zespół Retta** Badanie mutacji w regionie kodującym genu MECP2 - I etap | 3 |  |  | sekwencjonowanie |  |  | **5 tygodni** |  |  |  |  |
| 7 | **Zespół Retta** Analiza rozległych rearanżacji w genie MECP | 3 |  |  | MLPA |  |  | **8 tygodni** |  |  |  |  |
| 8 | **Zapalenie trzustki (ostre i przewlekłe);** Badanie najczęstszych mutacji w genach PRSS1, SPINK1 i CFTR (Badanie 12 najczęstszych mutacji genu PRSS1, badanie mutacji N34S w genie SPINK1 oraz badanie mutacji F508del, dele2,3(21kb) IVS8-T+(TG) oraz mutacji w eksonach 10 i 11 w genie CFTR | 3 |  |  | sekwencjonowanie |  |  | **5 tygodni** |  |  |  |  |
| 9 | **Wrodzony przerost kory nadnerczy**-postać klasyczna i nieklasyczna Badanie 8 najczęstszych mutacji w genie CYP21A2 oraz fragmentu regionu kodującego. | 10 |  |  | sekwencjonowanie |  |  | **5 tygodni** |  |  |  |  |
| 10 | **Wrodzony przerost kory nadnerczy** - postać klasyczna i nieklasyczna Badanie rozległych rearanżacji genu CYP21A2 | 10 |  |  | MPLA |  |  | **8 tygodni** |  |  |  |  |
| **Wartość pakietu** | | | |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| Oferowana cena pakietu jest ceną brutto, obejmująca wszystkie rabaty i upusty i traktowana jest jako ostateczna do zapłaty przez Zamawiającego | | | | |  | Kraków, dnia ………………………….. |  |  |  | …………………………………. |  |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  | podpis osoby uprawnionej |  |  |
|  | **Uwagi:** |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  | **\*** wypełnić, poprzez wpisanie nazwy podwykonawcy, wykreślenie lub wpisać "nie dotyczy" | | | | | | |  |  |  |  |  |

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|  | **Konkurs nr DZ.4240.2.2021**  **Załącznik nr 4**  **PAKIET NR 3** | | | | | |  |  |  |  |  |  |
| L.p. | Rodzaj badania | Ilość na dwa lata | Cena jednego badania | Koszt badań | Metoda | Wartości referencyjne | Materiał | Maksymalny czas oczekiwania na wynik | Temperatura  i czas przechowywania próbki | Dodatkowe wymagania dotyczące przygotowania pacjenta, pobierania  i przechowywania próbki | Zamierzam powierzyć podwykonawcy**\*** | Dokument poświadczający kontrolę zewnątrzlaboratoryjną. |
| 1 | 2 | 3 |  |  | 6 | 7 | 8 | 9 | 10 | 11 | 12 | 13 |
| 1 | Niepłodność męska Badanie mikrodelecji regionu **AZF** chromosomu Y (Badanie 6 loci) | 4 |  |  | PCR |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| 2 | Niepłodność męska Rozszerzenie badania mikrodelecji regionu **AZF** | 4 |  |  | PCR |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| 3 | Niepłodność męska, Badanie mikrodelecji regionu **AZF** chromosomu Y z uwzględnieniem delecji 51gr/51gr | 4 |  |  | PCR |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| 4 | Pakiet obejmuje badania wykonywane w procesie diagnostyki niepłodności męskiej oraz przed procedurą wspomaganego rozrodu (identyfikacja wybranych mutacji genu **CFTR,** delecji regionu **AZF** oraz analizę kariotypu) | 2 |  |  | sekwencjonowanie, analiza cytogenetyczna |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| 5 | Zespół łamliwego chromosomu X/ Przedwczesne wygasanie czynności jajników Badanie przesiewowe w celu wykrycia ekspansji powtórzeń (CGG)n w genie **FMR1** - I etap | 10 |  |  | analiza fragmentów+sekwencjonowanie |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| 6 | Zespół łamliwego chromosomu X/ Przedwczesne wygasanie czynności jajników Badanie premutacji i mutacji dynamicznej genu **FMR1** -II etap | 6 |  |  | analiza fragmentów+sekwencjonowanie |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| **Wartość pakietu** | | | |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| Oferowana cena pakietu jest ceną brutto, obejmująca wszystkie rabaty i upusty i traktowana jest jako ostateczna do zapłaty przez Zamawiającego | | | | |  | Kraków, dnia ………………………….. |  |  |  | …………………………………. |  |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  | podpis osoby uprawnionej |  |  |
|  | **Uwagi:** |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  | **\*** wypełnić, poprzez wpisanie nazwy podwykonawcy, wykreślenie lub wpisać "nie dotyczy" | | | | | | |  |  |  |  |  |

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|  | **Konkurs nr DZ.4240.2.2021**  **Załącznik nr 4**  **PAKIET NR 4** | | | | | |  |  |  |  |  |  |
| L.p. | Rodzaj badania | Ilość na dwa lata | Cena jednego badania | Koszt badań | Metoda | Wartości referencyjne | Materiał | Maksymalny czas oczekiwania na wynik | Temperatura  i czas przechowywania próbki | Dodatkowe wymagania dotyczące przygotowania pacjenta, pobierania  i przechowywania próbki | Zamierzam powierzyć podwykonawcy**\*** | Dokument poświadczający kontrolę zewnątrzlaboratoryjną. |
| 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 | 9 | 10 | 11 | 12 | 13 |
| 1 | **Dystrofia miotoniczna typu DM1** Badanie przesiewowe DM1 - I etap | 15 |  |  | analiza fragmentów+sekwencjonowanie |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| 2 | **Dystrofia Miotoniczna typu DM2** Analiza mutacji dynamincznej w genie ZNF9 (CNBP) | 15 |  |  | analiza fragmentów+sekwencjonowanie |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| 3 | **Dystrofia Miotoniczna typu DM1 i DM2** Analiza mutacji dynamicznych w genach DMPK oraz ZNF9 (CNBP) | 20 |  |  | analiza fragmentów+sekwencjonowanie |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| 4 | **Rdzeniowy zanik mięśni** Badanie przesiewowe w kierunku SMA | 20 |  |  | analiza fragmentów+sekwencjonowanie |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| 5 | **Rdzeniowy zanik mięśni** Badanie delecji eksonu 7 genu SMN1 - do oceny nosicielstwa mutacji SMN1 u osób zdrowych oraz do oceny liczby kopii SMN2 u osób chorych do kwalifikacji do programu lekowego (Nusinersen) | 20 |  |  | analiza fragmentów+sekwencjonowanie |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| 6 | Choroba Kennedy‘eg, opuszkowo-rdzeniowy zanik mięśni **(SBMA)** Analiza liczby powtórzeń CAG w genie AR | 20 |  |  | analiza fragmentów+sekwencjonowanie |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| 7 | **Dystrofia mięśniowa Duchenne-Beckera** Genetyczna diagnostyka dystrofii mięśniowej Duchenne‘a i Beckera metodą MLPA - wykrywanie rozległych rearanżacji genu DMD (duplikacji i delecji) - I etap | 10 |  |  | analiza fragmentów+sekwencjonowanie+MLPA |  |  | **8 tygodni** |  |  |  |  |
| 8 | Ataksja rdzeniowo-móżdżkowa typu 1 **(SCA1)** Analiza liczby powtórzeń (CAG)n w genie ATXN1 - badanie przesiewowe | 15 |  |  | analiza fragmentów+sekwencjonowanie |  |  | **5 tygodni** |  |  |  |  |
| 9 | Ataksja rdzeniowo-móżdżkowa typu 1 **(SCA1)** Analiza mutacji dynamicznej w genie ATXN1 metodą TP-PCR - badanie uzupełniające - II etap | 15 |  |  | analiza fragmentów+sekwencjonowanie |  |  | **6 tygodni** |  |  |  |  |
| 10 | Ataksja rdzeniowo-móżdżkowa typu 2 **(SCA2)** Analiza liczby powtórzeń (CAG)n w genie ATXN2 | 15 |  |  | analiza fragmentów+sekwencjonowanie |  |  | **5 tygodni** |  |  |  |  |
| 11 | Ataksja rdzeniowo-móżdżkowa typu 2 **(SCA2)** Analiza mutacji dynamicznej w genie ATXN2 metodą TP-PCR | 15 |  |  | TP-PCR |  |  | **6 tygodni** |  |  |  |  |
| 12 | Ataksja rdzeniowo-móżdżkowa typu 1 i 2 (**SCA1, SCA2)** Analiza liczby powtórzeń (CAG)n w genach ATXN1 i ATXN2 - badanie przesiewowe | 15 |  |  | analiza fragmentów+sekwencjonowanie |  |  | **5 tygodni** |  |  |  |  |
| 13 | **Choroba (pląsawica) Huntingtona** Analiza liczby powtórzeń (CAG)n w genie IT15 (HTT) | 20 |  |  | analiza fragmentów+sekwencjonowanie |  |  | **7 tygodni** |  |  |  |  |
| 14 | **Neurofibromatoza typu I** (choroba von Recklinghausena) Analiza rozległych rearanżacji genu NF1 metodą MLPA | 20 |  |  | MLPA |  |  | **8 tygodni** |  |  |  |  |
| 15 | Neuropatia wrażliwa na ucisk. Charcot-Marie-Tooth choroba, typ 1 **(CMT1)** Analiza regionu kodującego genu PMP22 metodą MLPA | 10 |  |  | MLPA |  |  | **8 tygodni** |  |  |  |  |
| 16 | **Niedosłuch (DFNB1)** Analiza delecji/duplikacji regionów kodujących genów: gjb2, GJB3, GJB6, WFS1, POU3F4 z zastosowaniem metody MLPA | 8 |  |  | MLPA |  |  | **8 tygodni** |  |  |  |  |
| 17 | **Stwardnienie zanikowe boczne**, otępienie Analiza obecności ekspansji powtórzeń motywu (GGGGCC) w genie C9ORF72 | 2 |  |  | analiza fragmentów+sekwencjonowanie |  |  | **6 tygodni** |  |  |  |  |
| 18 | **Choroba Krabbego** Badanie rozległej delecji IVS10del30kb w obrębie genu GALC - I etap | 6 |  |  | sekwencjonowanie |  |  | **5 tygodni** |  |  |  |  |
| 19 | **Choroba Krabbego** Badanie rearanżacji genu GALC metodą MLPA | 6 |  |  | MLPA |  |  | **6 tygodni** |  |  |  |  |
| 20 | **Dystonia torsyjna DYT1**  Analiza mutacji w eksonie 5 genu TOR1A z uwzględnieniem identyfikacji najczęstszej mutacji c.907\_909delGAG | 6 |  |  | sekwencjonowanie |  |  | **5 tygodni** |  |  |  |  |
| 21 | **Niepełnosprawność intelektualna sprzężona z chromosomem X** (ang. MRX) Analiza rozległych rearanżacji regionu MRX | 6 |  |  | MLPA |  |  | **8 tygodni** |  |  |  |  |
| **Wartość pakietu** | | | |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| Oferowana cena pakietu jest ceną brutto, obejmująca wszystkie rabaty i upusty i traktowana jest jako ostateczna do zapłaty przez Zamawiającego | | | | |  | Kraków, dnia ………………………….. |  |  |  | …………………………………. |  |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  | podpis osoby uprawnionej |  |  |
|  | **Uwagi:** |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  | **\*** wypełnić, poprzez wpisanie nazwy podwykonawcy, wykreślenie lub wpisać "nie dotyczy" | | | | | | |  |  |  |  |  |

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|  | **Konkurs nr DZ.4240.2.2021**  **Załącznik nr 4**  **PAKIET NR 5** | | | | | |  |  |  |  |  |  |
| L.p. | Rodzaj badania | Ilość na dwa lata | Cena jednego badania | Koszt badań | Metoda | Wartości referencyjne | Materiał | Maksymalny czas oczekiwania na wynik | Temperatura  i czas przechowywania próbki | Dodatkowe wymagania dotyczące przygotowania pacjenta, pobierania  i przechowywania próbki | Zamierzam powierzyć podwykonawcy**\*** | Dokument poświadczający kontrolę zewnątrzlaboratoryjną. |
| 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 | 9 | 10 | 11 | 12 | 13 |
| 1 | **Panel rak piersi**   CYP1B1 (C142G, G355T,V432L) ATM c. 5932 G>T NBS1 (c.657\_661del5) NOD2 (3020insC); CDKN2A (c.422G>A, p.Ala148Thr) TP53 (c.215C>G, p. Pro72Arg) | 10 |  |  | sekwencjonowanie |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| 2 | **Panel rak piersi** (CYP1B1 (C142G, G355T,V432L), ATM c. 5932 G>T NBS1 (c.657\_661del5) NOD2 (3020insC); CDKN2A (c.422G>A, p.Ala148Thr) TP53 (c.215C>G, p. Pro72Arg) ) **+ PALB2 (2 mutacje) i REQL (1 mutacja)** | 6 |  |  | sekwencjonowanie |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| 3 | **Panel rak piersi** (CYP1B1 (C142G, G355T,V432L), ATM c. 5932 G>T NBS1 (c.657\_661del5) NOD2 (3020insC); CDKN2A (c.422G>A, p.Ala148Thr) TP53 (c.215C>G, p. Pro72Arg)  **+ BRCA2** | 6 |  |  | sekwencjonowanie |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| 4 | **Panel rak jelita grubego**   MUTH (Y165C i V432L); CYP1B1 (C142G, G355T), V432); NOD2 (3020insC); CDKN2A (c.422G>A, p.Ala148Thr, p16) | 10 |  |  | sekwencjonowanie |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| 5 | **Panel rak prostaty** - NBS1 (c657del5); BRCA1; HOXB13 (c251G>A, rs188140481) | 6 |  |  | sekwencjonowanie |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| 6 | **Panel**  BRCA1 - 4 mutacje, BRCA2 - 4 mutacje, CDKN2A, NBS1 | 6 |  |  | sekwencjonowanie |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| **Wartość pakietu** | | | |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| Oferowana cena pakietu jest ceną brutto, obejmująca wszystkie rabaty i upusty i traktowana jest jako ostateczna do zapłaty przez Zamawiającego | | | | |  | Kraków, dnia ………………………….. | | |  | …………………………………. | |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  | podpis osoby uprawnionej | |  |
|  | **Uwagi:** |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  | **\*** wypełnić, poprzez wpisanie nazwy podwykonawcy, wykreślenie lub wpisać "nie dotyczy" | | | | | | |  |  |  |  |  |

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|  | **Konkurs nr DZ.4240.2.2021**  **Załącznik nr 4**  **PAKIET NR 6** | | | | | |  |  |  |  |  |  |
| L.p. | Rodzaj badania | Ilość na dwa lata | Cena jednego badania | Koszt badań | Metoda | Wartości referencyjne | Materiał | Maksymalny czas oczekiwania na wynik | Temperatura  i czas przechowywania próbki | Dodatkowe wymagania dotyczące przygotowania pacjenta, pobierania  i przechowywania próbki | Zamierzam powierzyć podwykonawcy**\*** | Dokument poświadczający kontrolę zewnątrzlaboratoryjną. |
| 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 | 9 | 10 | 11 | 12 | 13 |
| 1 | Diagnostyka postnatalna aneuploidii i mikroaberracji chromosomowych - analiza porównawczej hybrydyzacji genomowej metodą mikromacierzową (aCGH) | 150 |  |  | aCGH |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| **Wartość pakietu** | | | |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| Oferowana cena pakietu jest ceną brutto, obejmująca wszystkie rabaty i upusty i traktowana jest jako ostateczna do zapłaty przez Zamawiającego | | | | |  | Kraków, dnia ………………………….. | | |  | …………………………………. | |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  | podpis osoby uprawnionej | |  |
|  | **Uwagi:** |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  | **\*** wypełnić, poprzez wpisanie nazwy podwykonawcy, wykreślenie lub wpisać "nie dotyczy" | | | | | | |  |  |  |  |  |

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|  | **Konkurs nr DZ.4240.2.2021**  **Załącznik nr 4**  **PAKIET NR 7** | | | | | |  |  |  |  |  |  |
| L.p. | Rodzaj badania | Ilość na dwa lata | Cena jednego badania | Koszt badań | Metoda | Wartości referencyjne | Materiał | Maksymalny czas oczekiwania na wynik | Temperatura  i czas przechowywania próbki | Dodatkowe wymagania dotyczące przygotowania pacjenta, pobierania  i przechowywania próbki | Zamierzam powierzyć podwykonawcy**\*** | Dokument poświadczający kontrolę zewnątrzlaboratoryjną. |
| 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 | 9 | 10 | 11 | 12 | 13 |
| 1 | Homocystynuria - badanie genu CBS (eksonu 8) | 4 |  |  | sekwencjonowanie |  |  | **2 tygodnie** |  |  |  |  |
| **Wartość pakietu** | | | |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| Oferowana cena pakietu jest ceną brutto, obejmująca wszystkie rabaty i upusty i traktowana jest jako ostateczna do zapłaty przez Zamawiającego | | | | |  | Kraków, dnia ………………………….. | | |  | …………………………………. | |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  | podpis osoby uprawnionej | |  |
|  | **Uwagi:** |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  | **\*** wypełnić, poprzez wpisanie nazwy podwykonawcy, wykreślenie lub wpisać "nie dotyczy" | | | | | | |  |  |  |  |  |

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|  | | | | | | | | |  | | | | |  | | |
|  | **Konkurs nr DZ.4240.2.2021**  **Załącznik nr 4**  **PAKIET NR 8** | | | | | | |  | |  |  |  |  | |  |
| L.p. | Rodzaj badania | Ilość na dwa lata | | Cena jednego badania | Koszt badań | Metoda | Wartości referencyjne | Materiał | | Maksymalny czas oczekiwania na wynik | Temperatura  i czas przechowywania próbki | Dodatkowe wymagania dotyczące przygotowania pacjenta, pobierania  i przechowywania próbki | Zamierzam powierzyć podwykonawcy**\*** | | Dokument poświadczający kontrolę zewnątrzlaboratoryjną |
| 1 | 2 | 3 | | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 | | 9 | 10 | 11 | 12 | | 13 |
| 2 | **(mtDNA-NGS)** Choroby mitochondrialne: Analiza przesiewowa sekwencji genomu mitochondrialnego z wykorzystaniem metod sekwencjonowania nowej generacji | 8 | |  |  | NGS |  |  | | **8 tygodni** |  |  |  | |  |
| **Wartość pakietu** | | | | |  |  |  |  | |  |  |  |  | |  |
| Oferowana cena pakietu jest ceną brutto, obejmująca wszystkie rabaty i upusty i traktowana jest jako ostateczna do zapłaty przez Zamawiającego | | | | | |  | Kraków, dnia ………………………….. | | | |  | …………………………………. | | |  |
|  |  | |  |  |  |  |  |  | |  |  | podpis osoby uprawnionej | | |  |
|  | **Uwagi:** | |  |  |  |  |  |  | |  |  |  |  | |  |
|  | **\*** wypełnić, poprzez wpisanie nazwy podwykonawcy, wykreślenie lub wpisać "nie dotyczy" | | | | | | | | |  |  |  |  | |  |

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|  | **Konkurs nr DZ.4240.2.2021**  **Załącznik nr 4**  **PAKIET NR 9** | | | | | |  |  |  |  |  |  |
| L.p. | Rodzaj badania | Ilość na dwa lata | Cena jednego badania | Koszt badań | Metoda | Wartości referencyjne | Materiał | Maksymalny czas oczekiwania na wynik | Temperatura  i czas przechowywania próbki | Dodatkowe wymagania dotyczące przygotowania pacjenta, pobierania  i przechowywania próbki | Zamierzam powierzyć podwykonawcy**\*** | Dokument poświadczający kontrolę zewnątrzlaboratoryjną. |
| 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 | 9 | 10 | 11 | 12 | 13 |
| 1 | **Sekwencjonowanie 19 genów wysokiego ryzyka raków za pomocą sekwencjonowania nowej generacji (NGS)**  Lista ocenianych genów: APC, ATM, BRCA1, BRCA2, CDH1, CDKN2A, CHEK2, MLH1, MUTYH, MSH2, MSH6, NBN, PALB2, PTEN, PMS2, RAD51C, RAD51D, STK11, TP53. | 20 |  |  | NGS |  |  | **8 tygodni** |  |  |  |  |
| 2 | **Sekwencjonowanie BRCA1&BRCA2 - NGS** Sekwencjonowanie genów wysokiego ryzyka raków za pomocą sekwencjonowania nowej generacji (NGS) Lista ocenianych genów: BRCA1, BRCA2 | 20 |  |  | NGS |  |  | **8 tygodni** |  |  |  |  |
| 3 | **Mikroelementy u kobiet z chorobami nowotworowymi:** cynk, selen, arsen i mangan. | 20 |  |  |  |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| 4 | **BRAF** – badanie mutacji V600 czułym testem qPCR | 20 |  |  | qPCR |  |  | **8 tygodni** |  |  |  |  |
| 5 | **BRCA1/BRCA2** – rak jajnika, badanie całej sekwencji kodującej genów techniką sekwencjonowania następnej generacji w materiale z bloczków parafinowych | 20 |  |  | NGS |  |  | **8 tygodni** |  |  |  |  |
| 6 | **HER 2** – badanie amplifikacji metodą FISH | 20 |  |  | FISH |  |  | **8 tygodni** |  |  |  |  |
| 7 | **KRAS i NRAS** – badanie mutacji | 20 |  |  | real time PCR |  |  | **8 tygodni** |  |  |  |  |
| 8 | **MSI** – badanie niestabilności mikrosatelitarnej | 20 |  |  | real time PCR |  |  | **8 tygodni** |  |  |  |  |
| 9 | **RAS** (KRAS+NRAS+BRAF) | 20 |  |  | real time PCR |  |  | **8 tygodni** |  |  |  |  |
| **Wartość pakietu** | | | |  | | | | | | | | |
| Oferowana cena pakietu jest ceną brutto, obejmująca wszystkie rabaty i upusty i traktowana jest jako ostateczna do zapłaty przez Zamawiającego | | | | |  | Kraków, dnia ………………………….. | | |  | …………………………………. | |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  | podpis osoby uprawnionej | |  |
|  | **Uwagi:** |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  | **\*** wypełnić, poprzez wpisanie nazwy podwykonawcy, wykreślenie lub wpisać "nie dotyczy" | | | | | | |  |  |  |  |  |

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|  | **Konkurs nr DZ.4240.2.2021**  **Załącznik nr 4**  **PAKIET NR 10** | | | | | |  |  |  |  |  |  |
| L.p. | Rodzaj badania | Ilość na dwa lata | Cena jednego badania | Koszt badań | Metoda | Wartości referencyjne | Materiał | Maksymalny czas oczekiwania na wynik | Temperatura  i czas przechowywania próbki | Dodatkowe wymagania dotyczące przygotowania pacjenta, pobierania  i przechowywania próbki | Zamierzam powierzyć podwykonawcy**\*** | Dokument poświadczający kontrolę zewnątrzlaboratoryjną. |
| 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 | 9 | 10 | 11 | 12 | 13 |
| 1 | Tandemowa spektrometria mas w badaniach przesiewowych | 5 |  |  | MS/MS |  |  | **2 tygodnie** |  |  |  |  |
| **Wartość pakietu** | | | |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| Oferowana cena pakietu jest ceną brutto, obejmująca wszystkie rabaty i upusty i traktowana jest jako ostateczna do zapłaty przez Zamawiającego | | | | |  | Kraków, dnia ………………………….. | | |  | …………………………………. | |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  | podpis osoby uprawnionej | |  |
|  | **Uwagi:** |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  | **\*** wypełnić, poprzez wpisanie nazwy podwykonawcy, wykreślenie lub wpisać "nie dotyczy" | | | | | | |  |  |  |  |  |

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|  | **Konkurs nr DZ.4240.2.2021**  **Załącznik nr 4**  **PAKIET NR 11** | | | | | |  |  |  |  |  |  |
| L.p. | Rodzaj badania | Ilość na dwa lata | Cena jednego badania | Koszt badań | Metoda | Wartości referencyjne | Materiał | Maksymalny czas oczekiwania na wynik | Temperatura  i czas przechowywania próbki | Dodatkowe wymagania dotyczące przygotowania pacjenta, pobierania  i przechowywania próbki | Zamierzam powierzyć podwykonawcy**\*** | Dokument poświadczający kontrolę zewnątrzlaboratoryjną. |
| 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 | 9 | 10 | 11 | 12 | 13 |
| 1 | Badanie moczu w kierunku mukopolisacharydozy | 4 |  |  |  |  |  | **2 tygodnie** |  |  |  |  |
| 2 | Chromatografia oligosacharydów w moczu | 4 |  |  |  |  |  | **2 tygodnie** |  |  |  |  |
| 3 | Chromatografia sjalooligosacharydów w moczu | 4 |  |  |  |  |  | **2 tygodnie** |  |  |  |  |
| **Wartość pakietu** | | | |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| Oferowana cena pakietu jest ceną brutto, obejmująca wszystkie rabaty i upusty i traktowana jest jako ostateczna do zapłaty przez Zamawiającego | | | | |  | Kraków, dnia ………………………….. | | |  | …………………………………. | |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  | podpis osoby uprawnionej | |  |
|  | **Uwagi:** |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  | **\*** wypełnić, poprzez wpisanie nazwy podwykonawcy, wykreślenie lub wpisać "nie dotyczy" | | | | | | |  |  |  |  |  |

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|  | **Konkurs nr DZ.4240.2.2021**  **Załącznik nr 4**  **PAKIET NR 12** | | | |  |  |  |  |  |  |  |  |
| L.p. | Rodzaj badania | Ilość na dwa lata | Cena jednego badania | Koszt badań | Metoda | Wartości referencyjne | Materiał | Maksymalny czas oczekiwania na wynik | Temperatura  i czas przechowywania próbki | Dodatkowe wymagania dotyczące przygotowania pacjenta, pobierania  i przechowywania próbki | Zamierzam powierzyć podwykonawcy**\*** | Dokument poświadczający kontrolę zewnątrzlaboratoryjną. |
| 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 | 9 | 10 | 11 | 12 | 13 |
| 1 | Polimorfizm 4g/5g w genie PAI-1 (SERPINE1) | 5 |  |  | real-time PCR |  |  | **4 tygodnie** |  |  |  |  |
| 2 | Lekooporność HBV na lamiwudyę | 10 |  |  | metoda PCR |  |  | **12 dni** |  |  |  |  |
| 3 | Lekooporność HBV na entekawir | 10 |  |  | metoda PCR |  |  | **12 dni** |  |  |  |  |
| 4 | VLCFA\_ bardzo długołańcuchowe kwasy tłuszczowe | 3 |  |  | chromatografia |  |  | **2 tygodnie** |  |  |  |  |
| **RAZEM :** | | | |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| Oferowana cena pakietu jest ceną brutto, obejmująca wszystkie rabaty i upusty i traktowana jest jako ostateczna do zapłaty przez Zamawiającego | | | | |  | Kraków, dnia ………………………….. | | |  | …………………………………. | |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  | podpis osoby uprawnionej | |  |
|  | **Uwagi:** |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  | **\*** wypełnić, poprzez wpisanie nazwy podwykonawcy, wykreślenie lub wpisać "nie dotyczy" | | | | | | |  |  |  |  |  |

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|  | **Konkurs nr DZ.4240.2.2021**  **Załącznik nr 4**  **PAKIET NR 13** | | | |  |  |  |  |  |  |  |  |
| L.p. | Rodzaj badania | Ilość na dwa lata | Cena jednego badania | Koszt badań | Metoda | Wartości referencyjne | Materiał | Maksymalny czas oczekiwania na wynik | Temperatura  i czas przechowywania próbki | Dodatkowe wymagania dotyczące przygotowania pacjenta, pobierania  i przechowywania próbki | Zamierzam powierzyć podwykonawcy**\*** | Dokument poświadczający kontrolę zewnątrzlaboratoryjną. |
| 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 | 9 | 10 | 11 | 12 | 13 |
| 1 | EGFR - badanie mutacji (badanie obejmuje również mutację T790M) Analiza jednej lub kilku mutacji wykrywanych w od jednego do 6 amplikonów p | 5 |  |  | real-time PCR/ sekwencjonowanie Sangera |  |  | **2 tygodnie** |  |  |  |  |
| 2 | ALK - badanie rearanżacji genu ALK. Badanie FISH/ISH komórek nowotworowych z zastosowaniem zestawu 2 sond | 5 |  |  | metoda FISH |  |  | **2 tygodnie** |  |  |  |  |
| 3 | ROS1 - badanie rearanżacji genu ROS1. Badanie FISH/ISH komórek nowotworowych z zastosowaniem zestawu 2 sond | 5 |  |  | metoda FISH |  |  | **2 tygodnie** |  |  |  |  |
| 4 | PD-L1 - badanie ekspresji antygenu PD-L1. Badanie wykonane techniką IHC z zastosowaniem przeciwciałą 22C3 | 100 |  |  | technika IHC |  |  | **2 tygodnie** |  |  |  |  |
| **Wartość pakietu** | | | |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| Oferowana cena pakietu jest ceną brutto, obejmująca wszystkie rabaty i upusty i traktowana jest jako ostateczna do zapłaty przez Zamawiającego | | | | |  | Kraków, dnia ………………………….. | |  |  | …………………………………. |  |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  | podpis osoby uprawnionej | |  |
|  | **Uwagi:** |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  | **\*** wypełnić, poprzez wpisanie nazwy podwykonawcy, wykreślenie lub wpisać "nie dotyczy" | | | | | | |  |  |  |  |  |